

اصلاح نژاد دام از کلاسیک تا ژنومیک

آذر راشدی ده صحرائی

امیر طاهری یگانه

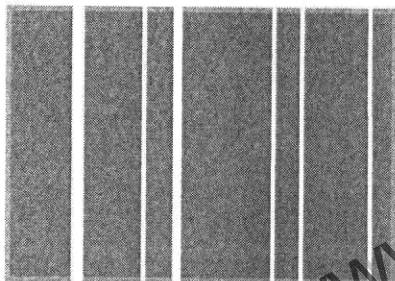


۰۲۱-۴۴۰۱۵۶۰۸

۰۹۱۲۹۲۱۱۷۵۶

www.rozapub.ir

اصلاح نژاد دام از کلاسیک تا ژنومیک



● مولفین: آذر راشدی ده صحرائی

امیر طاهری یگانه

● ۱۴۰ صفحه / وزیری

● شمارگان: ۱۰۰۰ نسخه

● نوبت چاپ: اول - ۱۴۰۱

● قیمت: ۹۹۰۰۰ تومان

● شابک: ۹۷۸-۶۲۲-۵۹۸۴-۶۸-۴

سرشناسی: راشدی ده صحرائی، آذر، ۱۳۶۳-

عنوان و نام پدیدآور: اصلاح نژاد دام از کلاسیک تا

ژنومیک / آذر راشدی ده صحرائی، امیر طاهری یگانه.

مشخصات نشر: تهران: نشر رزا، ۱۴۰۱.

مشخصات ظاهری: ۱۴۰ ص:.. جدول، نمودار (رنگی).

شابک: 4-68-5984-622-978

یادداشت: کتابنامه: ص. [۱۲۳] - ۱۴۰.

موضوع: دام‌ها -- اصلاح نژاد

Livestock -- Breeding

دام‌ها -- ژنتیک

Livestock -- Genetics

شناسه افزوده: طاهری یگانه، امیر، ۱۳۴۹-

رده بندی کنگره: ۱۰۵SF

رده بندی دیویی: ۶۳۶/۸۲۱۰

شماره کتابشناسی ملی: ۸۹۸۳۳۱۲

فهرست

۱۱.....	فصل اول: مقدمه
۱۳.....	مقدمه
۱۹.....	فصل دوم: اصلاح دام
۱۹.....	کلاسیک
۲۱.....	اهداف اصلاح نژاد
۲۲.....	اصلاح دام کلاسیک یا فنوتیپی
۲۴.....	اصلاح نژاد در گوسفند
۲۴.....	صفات اقتصادی مهم گوسفند
۲۵.....	اهمیت مطالعه صفات رشد
۲۵.....	رشد و نمو
۲۶.....	رشد قبل از شیرگیری
۲۷.....	رشد بعد از شیرگیری
۲۷.....	عوامل مؤثر بر وزن بدن و رشد در سنین مختلف

۲۸	جنسیت
۲۸	تیپ تولد
۲۹	سال تولد
۲۹	فصل تولد
۲۹	سن میش هنگام تولد بره
۳۰	برآورد مؤلفه‌های (کو)واریانس و پارامترهای ژنتیکی
۳۰	اهمیت برآورد پارامترهای ژنتیکی
۳۱	وراثت پذیری
۳۲	دقت برآورد وراثت پذیری
۳۴	اجزاء ژنتیکی مستقیم و مادری صفات
۳۵	ارزش اصلاحی
۳۶	ارزیابی ژنتیکی
۳۷	فصل سوم: منابع اطلاعاتی نشانگری
۳۹	استفاده از منابع اطلاعاتی نشانگری
۴۰	ریزماهواره‌ها
۴۰	چندشکلی تک نوکلئوتیدی (SNP)
۴۲	عدم تعادل پیوستگی
۴۴	انتخاب براساس نشانگرها (MAS)
۴۵	مزیت انتخاب براساس نشانگرها

۴۵	مشکلات انتخاب براساس نشانگرها.....
۴۷	فصل چهارم: انتخاب ژنومیک
۴۹	مقدمه‌ای برانتخاب ژنومیک.....
۵۰	مزایای انتخاب ژنومیک.....
۵۱	کاهش فاصله نسل.....
۵۱	کاهش نرخ هم خونی.....
۵۲	افزایش پیشرفت ژنتیکی.....
۵۳	پیاده‌سازی انتخاب ژنومیک.....
۵۳	روش‌های آماری مختلف در برآورد اثر نشانگرها.....
۵۴	استفاده از ماتریس روابط ژنومیک (GRM).....
۵۴	عوامل موثر بر صحت انتخاب ژنومی.....
۵۵	نوع نشانگر.....
۵۵	تراکم نشانگر.....
۵۶	تعداد رکورد‌های فنوتیپی در جمعیت مرجع.....
۵۶	وراثت‌پذیری صفت.....
۵۶	ارتباط بین جمعیت‌های مرجع وکاندید.....
۵۷	مدل آماری مورد استفاده.....
۵۷	معماری ژنتیکی صفات.....
۵۹	برآورد اجزای واریانس ژنومی برای کل نشانگرها.....

۶۲	اجزای واریانس ژنومی برای کل نشانگرها با استفاده از تجزیه و تحلیل دومتغیره ...
۶۳	بررسی ارتباط صفات با نشانگرها با استفاده از پویش کل ژنوم
۶۵	بررسی ارتباط نشانگرها با صفات کمی درگوسفند
۶۹	فصل پنجم: ادغام کردن نشانگرها.....
۷۱	توزیع فراوانی آلی.....
۷۲	روش های ادغام کردن (collapsing Methods)
۷۵	مطالعات انجام شده.....
۸۰	وزن دهی واریانت ها.....
۸۱	آنالیز SKAT و SKAT-O
۸۲	نتایج به دست آمده از آنالیز SKAT-O و SKAT
۸۷	فصل ششم: روش انجام آنالیزهای آماری کلاسیک.....
۸۹	اطلاعات مورد بررسی.....
۹۰	ویرایش شجره
۹۰	نرم افزار MTGSAM
۹۱	برنامه MTGSNRM
۹۱	برنامه MTGSPREP
۹۲	برنامه MTGSRUN
۹۲	نحوه آماده سازی فایل داده های نهایی برای تجزیه و تحلیل با نرم افزار MTGSAM ..
۹۳	نحوه آرایش ستون ها در فایل نهایی

۹۴	نرم افزار WOMBAT.....
۹۵	نحوه آرایش ستون ها در فایل نهایی
۹۵	مدلهای آماری.....
۹۸	تعیین مدل مناسب.....
۱۰۰	تجزیه و تحلیل های دو متغیره.....
۱۰۱	فصل هفتم: روش انجام آنالیزهای آماری ژنومی
۱۰۳	آنالیزهای آماری
۱۰۴	ساختار جمعیت
۱۰۴	تکنیک آماری تجزیه و تحلیل مؤلفه های اصلی (PCA)
۱۰۵	گروه های مختلف فراوانی الی کماب (MAF).....
۱۰۷	واریانس ژنومی توجه شده توسط نشانگرهای SNP.....
۱۱۱	توانایی پیش بینی
۱۱۲	تقسیم بندی SNP ها بر اساس مناطق مختلف ژنی
۱۱۲	بررسی ارتباط صفات با نشانگرها با استفاده از پویش کل ژنوم
۱۱۳	ادغام کردن واریانت های نادرن.....
۱۱۴	مدل و آزمون SKAT برای اثرات خطی SNP
۱۱۸	مدل و آزمون SKAT-O برای اثرات خطی SNP
۱۱۹	مسیرهای بیولوژیکی شناسایی شده
۱۲۳	منابع